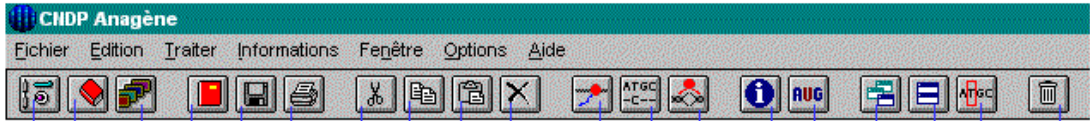
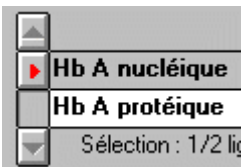


COMPARAISON - CONVERSION AVEC ANAGENE Version 1

Les icônes de la barre d'outils		Numérotation des éléments d'une séquence	
 CHDP Anagène Fichier Edition Traiter Informations Fenêtre Options Aide Thèmes d'étude Banque de séquences Programmes et documents Voir le classeur Enregistrer Imprimer Copier Couper Coller Effacer Convertir les séquences Comparer les séquences Action enzymatique Code génétique Information Cascade Mosaïque Grand curseur Fermer toutes les fenêtres		 Echelle de repérage des nucléotides Echelle de repérage des acides aminés Attention au décalage des numéros Cliquer sur l'échelle pour passer de l'échelle des nucléotides à celle des acides aminés. Utiliser le curseur Surligner pour sélectionner la partie de la séquence choisie. Cliquer sur l'icône « grand curseur ». Bulles d'aide Une bulle d'aide s'affiche sur l'objet pointé par le curseur de la souris	
Editer une séquence		Sélectionner une séquence	
Sélectionner cette séquence dans l'un des répertoires d'Anagène : - Banque de séquences - Thèmes d'étude - Programmes et documents ou par «Fichier / Ouvrir / sauve»		 Cliquer sur le bouton de sélection. La séquence sélectionnée s'inscrit sur fond blanc. On peut sélectionner plusieurs séquences. La flèche rouge indique la ligne pointée, sur laquelle il est possible d'obtenir des informations et que l'on peut déplacer à l'aide des flèches grises, haut - bas.	
Convertir une séquence		Comparer des séquences	
Menu «traiter / convertir ces séquences». Pour traiter une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée.		ATTENTION : pour comparer, la séquence de référence est toujours celle qui est placée en premier. Menu «traiter / comparer les séquences» ou «convertir ces séquences». Pour traiter une séquence, elle doit être au préalable sélectionnée. La comparaison des séquences ne peut se faire que sur des séquences de même nature. Les flèches grises haut-bas permettent de placer la séquence de référence. Deux comparaisons possibles : <u>La comparaison par alignement</u> permet de comparer avec discontinuité, en éliminant les décalages résultant de délétion(s) ou d'insertion(s), les valeurs affichées sont des ressemblances (identités), <u>La comparaison simple</u> permet de comparer point par point des séquences sans aucun alignement, les valeurs affichées sont des différences.	
Informations sur la ou les séquence(s) sélectionnée(s)			
Menu «informations / sur la ligne pointée» pour obtenir des informations sur la sélection : soit d'une ligne, soit de toutes les lignes en cliquant d'abord devant « traitement ». <i>Attention : les pourcentages obtenus portent soit sur des différences soit sur des ressemblances.</i>			
Créer des séquences			
Menu «Fichier / créer». Choisir le type de séquence et le nommer. Taper ou choisir dans la fenêtre d'«édition de séquences», votre séquence.			